ABSTRAK

IDENTIFIKASI MOLEKULER DAN VARIASI GENETIK BEGOMOVIRUS YANG MENGINFEKSI TANAMAN TERUNG UNGU (Solanum melongena L.) SERTA PATOGENISITASNYA PADA BEBERAPA SPESIES SOLANACEAE

Oleh

ERIKA FEBRIANTI

Genus *Begomovirus* merupakan kelompok terbesar penyebab penyakit pada tanaman dalam famili Geminiviridae. Tanaman Solanaceae yang banyak terinfeksi oleh *Begomovirus* adalah cabai, terung, dan tomat dengan gejala sangat parah. Identifikasi *Begomovirus* berdasarkan gejala penyakit tidak dapat digunakan untuk mengidentifikasi spesies Begomovirus yang menginfeksi tanaman. Penelitian ini bertujuan untuk mengidentifikasi Begomovirus yang menginfeksi tanaman terung ungu berdasarkan runutan nukleotida AV1, AC2, dan AC1, serta mengetahui patogenisitas *Begomovirus* pada beberapa spesies tanaman Solanaceae. Penelitian ini dilaksanakan dari bulan Desember 2020 sampai Desember 2021 di Laboratorium Bioteknologi Pertanian dan di kebun percobaan Fakultas Pertanian Universitas Lampung. Identifikasi Begomovirus menggunakan universal primers Krusty/Homer untuk mengamplifikasi runutan nukleotida AV1 yang berukuran ~550 bp serta degenerate primers SPG1/SPG2 untuk mengamplifikasi sebagian runutan nukleotida AC2 dan AC1 yang berukuran ~912 bp. Analisis keragaman genetik *Begomovirus* dibuat menggunakan runutan nukleotida AC2 dan AC1 yang tersedia di GenBank. Hasil menunjukkan bahwa terung ungu yang bergejala menguning dan mosaik kuning adalah Begomovirus berdasarkan hasil PCR mengunakan universal primers Krusty/Homer dan degenerate primers SPG1/SPG2. Hasil analisis filogenetik Begomovirus yang menginfeksi terung ungu termasuk ke dalam spesies Tomato yellow leaf curl Kanchanaburi virus (TYLCKaV) dan memiliki variasi genetik yang berbeda dengan spesies Begomovirus pada tanaman lain. Uji patogenisitas menunjukkan bahwa TYLCKaV dapat menginfeksi tanaman Solanaceae lain yaitu cabai merah keriting dan tomat rampai.

Kata kunci: *Begomovirus*, terung ungu, *Tomato yellow leaf curl Kanchanaburi virus*, Solanaceae